

Fig. 1

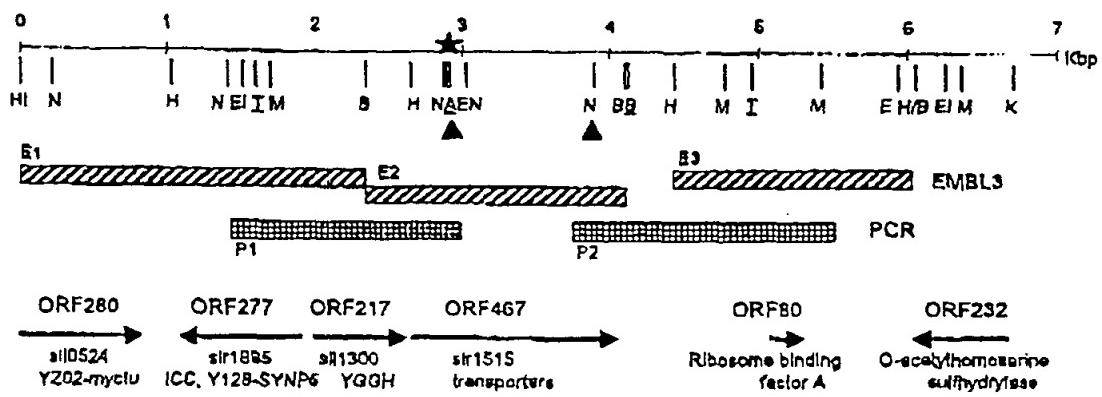


Fig. 2. Effect of HCO₃⁻ on Cl⁻ uptake in wild-type and mutant II-2 cells.

Fig. 4a

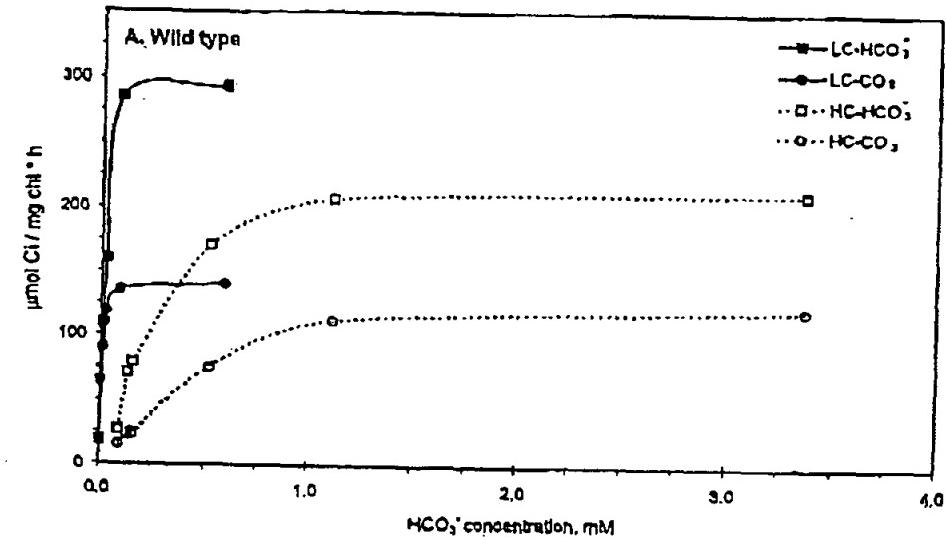


Fig. 4b

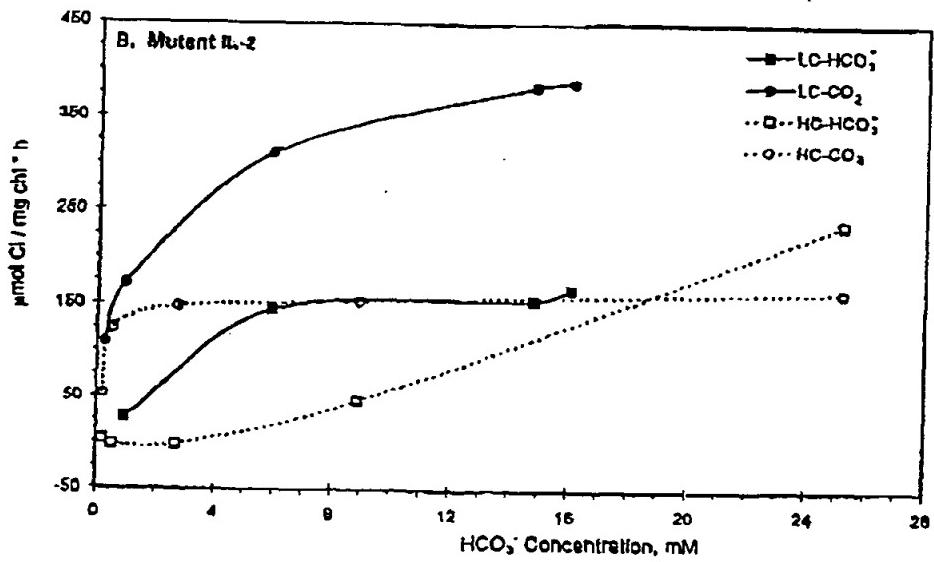


FIGURE 2

ICTB : 1 ATGACTGTCTGGCAAACCTCTGACTTTGCCATTACCAACCCCAACAGTGGGCCACAGC 60 (SEQ ID NO:2)
SLR : 13 ATCTCTATCTGGCGATCGCTGATGTTGGCGTTTCCCCCAGGAATGGGCCGGGC 72 (SEQ ID NO:4)

ICTB : 61 AGTTTCTTGATCGCGCTGTTGGCAGCCTGC-GAGCTTGGCGGGCCTCACGGCAGCTGTT 119
SLR : 73 AGTGTGCTCCATCGTTGGTGGGCTGGGACAGAG-TTGGATACAGGCTAGTGTGCTCTG 131

ICTB : 120 GGTTTGGTCTGAGGCAGTGGGT--GGCTTCTTGCTGCTGCGTACGGTCGGCTCCG 177
SLR : 132 GCCCCACTTCGAGGCATTGGGTACGGCT-CTAG-TGGCAATAATTTTATTGCGGCTCCC 189

ICTB : 178 TTTGTGCCAGTCCGCCCTAGGGTGGGCTAGCCCGATCGCG-GCCTATTGGGCCCT 236
SLR : 190 TTCACCTCCACCACCATGTTGGCATTTTAT-GCTGCTCTGTTGGAGCCTTGGCTCT 248

ICTB : 237 GCTCTCGCTGACAGATATCGATCTCGCGAAGCA---ACCCCCATTCACTGGCTGGTGCT 293
SLR : 249 GCTGACCTTGTGAT--CAACCAAG-GGAAGGGTTGACTCCCATCCATGTTTAGTTT 305

ICTB : 294 GCTCTACTGGGGCGTCGATGCCCTAGCAACGGGACTCTCACCCGTACCGCAGCTTT 353
SLR : 306 TGCCACTGGTGCATTTCGGCGATCGCGTGGGATTTCTCCGGAAAAATGGCGCGGC 365

ICTB : 354 AGTTGGGCTAGCCAAACTGAC-GCTC-TA CCTGTTGGTTTGGCCCTAGCGGCTGGGTT 411
SLR : 366 GTCGGGGTTAGC GAAATTAAACAGCTAATTATGCTGTTCTAC-TGGCGCGAGGTTA 423

ICTB : 412 CTCCGCAATCCCCGTCTGC-GATCGCTGCTGTTCTCGTCGTGATCACATCGCTTT 470
SLR : 424 TTGCAAAACAAACAATGGTGAAC-CGGTTAGTAACCGTTGTTACTGGTAGGGCTATT 482

ICTB : 471 TGTCAGTGTCTACGGCCTCAACCAATGGATCTACGGCGTTGAAGAGCTGGGACTTGGGT 530
SLR : 483 GGTGGGGAGTTACGGTCTGCGACAACAGGTGGACGGGGTAGAACAGTTAGCCACTTGGAA 542

ICTB : 531 GGATCGCAACTCGGTTGCCGACTTCACCTCACGGGTTACAGCTATCTGGCAACCCCAA 590
SLR : 543 TGACCCCACCTCTACCTTGGCCAGGCCACTAGGTATATAGCTTTAGGTAATCCCAA 602

ICTB : 591 CCTGCTGGCTGTTATCTGGTGCCGACGACTGCCCTT-CTGCAGCAGCGATGGGTGT 649
SLR : 603 TCTCTTGGCGGCTTACCTGGTGCCATGACGGGTTGAGCTTGAGT-GCCCTGGTGGTAT 661

ICTB : 650 GGC CGGGCTGGCTCCCCAAGCTGCTGGCGATCG-CTGCGACAGGTGGAGCAGCTTATGT 708
SLR : 662 GGC GACGGTGGTGGCCAAACTGCTGG-GAGCAACCAGGTGATTGTTAACCTACTCTGT 720

ICTB : 709 CTGATCCTCACCTACAGTCGCGTGGCTGGCTGGCTGGCTGGCCATGATTTTGCTGG 768
SLR : 721 CTCTTTTACCCAGAGCCGGCGTTGGCTAGCAGTGTGGCCCTGGAGCTACCTTC 780

ICTB : 769 GCGTTATTAGGGCTCTACTGGTTCAACCCCGTCTACCCGACCCCTGGCGACGCTGGCTA 828
SLR : 781 CTGGCCCTTGTTACTCTGGTGTTACCCAAATTACCCAAATTGGCAACGGTGGTCT 840

ICTB : 829 TTCCCAGTCGATTGGGTGGACTAGTCGCGGTGCTCTT-GGTGGCGGTGCTTGGACT--- 884
SLR : 841 TTGCCCCGGC---GATCGCC--GTGGCGGTATATTAGGTGGGGAGCGTTGATTGCG 894

ICTB : 885 -TG-AGCCGTTGCGCGTGCCTGTTGAGCATCTTGTGGGGCGTGAAGACAGCAGCAAC 942
SLR : 895 GTGGAACCGATTGACTCAGGCCATGAGCATTGGTGGGGAGCGTTGATTGCG 954

FIGURE 2 (CONTINUED)

ICTB : 943 AACTCCGGATCAATGTCGGCTGGCGGTGCTGCAGATGATTCAAGATCGGCCCTGGCTG 1002
SLR : 955 AATTCCGCATCAATGTTGGAGGGTAAAGCCATGATCCGAGCCCAGCTATCATT 1014

ICTB : 1003 GGCATCGGCCCGCAATACCGCCTTAACCTGGTTATCCCCTATCAAACAGGCGCGC 1062
SLR : 1015 GGCATTGGCCCAGGTAACGAAGCCTTAACCAAATTATCCTTACTATATGCGGCCCGC 1074

ICTB : 1063 TTTACGGCGTTGAGCGCCTACTCCGTCCCGCTGGAAGTCGCGGTTGAGGGCGGACTACTG 1122
SLR : 1075 TTCACCGCCCTGAGTGCCATTACCTAGAAATTGGTGGAAACGGGTGTAGTT 1134

ICTB : 1123 GGCTTGA-CGGCTTCGCTTGGCTGCT-GCTGGTCACGGCGGTGACGGCGGTGCGCAGG 1180
SLR : 1135 GGTTTTACCTGTATGCTC-TGGCTGTTGGCCGTTACCTAGGCAAAGGC-GTAGAACTGG 1192

ICTB : 1181 TGAGCCGACTGCGCGCGATCGCAATCCCC--AAGCCTTTGGTTGATGGCTAGCTTGGC 1238
SLR : 1193 TTAAACG-CTGTCGC-CAAACCCCTGCCCCGGAGGCATCTGGATTATGGGGCTTAGC 1250

ICTB : 1239 CGGTTTGGCAGGAATGCTGGGTACGGCTGTTGATACC GTGCTATCGACCGGAAGC 1298
SLR : 1251 GGCGATCATCGGTTGGTCCACGGCATGGTAGATACTGGTACCGTCCCCGGT 1310

ICTB : 1299 CAGTACGCTCTGGTGGCTCTGTATTGG--AGCGATCGCGAGTTCTGG--CAGC-CCCAA 1353
SLR : 1311 GAGCACTTGTGGTGG-TTGCTAGTGGCCATTG-TTGCTAGTCAGTGGCCAGCGCCCCAG 1368

ICTB : 1354 CCTTCCAAGCAACTCCCTCCAGAAGCCGAGGATTCAAGACGAA 1395
SLR : 1369 GCCCGTTGGAGGCCAGTAAAGAA---GAAAATGAGGACAAA 1407

卷之三

FIGURE 3

ICTB : 1 MTVWQTLTFAHYQPQQWGHSSFLHRLFGSLRAWRASSQLLVSEALGGFLLAUVYVGSAFP 60
 +++W++L F + PQ+WG S LHRL G +W +S L EALG L+A+++ +APF
 SLR : 5 ISIWRSLSMFFGSPQEWRGGSVLHRLVWGWGQSWIQASVLWPHFEALGTALVAAIFIAPF 64

 ICTB : 61 VPSSALGLGLAAIAAYWALLSLTDIDLRQATPIHWLVLVLYWGVDALATGLSPVRAALVG 120
 ++ LG+ + A+WALL+ D + TPIH LV YW + A+A G SPV+ AA G
 SLR : 65 TSTTMLGIFMLLCGAFWALLTFADQPGKGLTPIHVLVFAYWCISAIAVGFSPVKMAASG 124

 ICTB : 121 LAKLTLYLLVFALAARVLRNPRLRSLLFSVVVITSLFVSVYGLNQWIYGVEEELATWDRN 180
 LAKLT L +F LAAR+L+N + L +VV++ L V YGL Q + GVE+LATW D
 SLR : 125 LAKLTANLCLFLLAARLLQNQKQWLNRLLVTVVLLVGLVGSYGLRQQVGDGEQLATWNNDPT 184

 ICTB : 181 SVADFTSRVSYLGNPNLLAAYLVPPTAFAFSAAAIGVWRGWLKPKLAAIAATGASSLCLILT 240
 S +RVYS+LGPNPNLLAAYLVP T S +A+ VWR W PKLL + LCL T
 SLR : 185 STLAQATRVYSFLGNPNLLAAYLVPMTGLSLSALVVWRRNWPKLIGATMVIVNLLCLFFT 244

 ICTB : 241 YSRGGWLGFVAMIFVWALLGLYWFWQPRLPAPWRRWLFPVVLGLVAVLLVAVLGLEPLRV 300
 SRGGWL +A+ + L +W+ P+LP W+RW P+ + V + A++ +EP+R+
 SLR : 245 QSRGGWLAVLALGATFLALCYFWWLPQLPKFWQRWSLPLAIAAVAVILGGGALIAVEPIRL 304

 ICTB : 301 RVLSIFVGREDSSNNFRINVWLAVLQMIQDRPWLGIGPGNTAFNLVYPLYQQARFTALSA 360
 R +SIF GREDSNNFRINVW V MI+ RP +GIGPGN AFN +YP Y + RFTALSA
 SLR : 305 RAMSIFAGREDSSNNFRINVWEGVKAMIRARPIIIGIGPGNEAFNQIYPYYMRPRTALSA 364

 ICTB : 361 YSVPLEAVEGGGLLGLTAFAWLLVTAVTAVRQVSRLRRDRNPQAFWLMASLAGLAGMLG 420
 YS+ LE+ VE G++G T WLL VT V V R R+ P+ W+M +LA + G+L
 SLR : 365 YSIYLEILVETGVVGFCTMLWLLAVTLKGKVVELVKRCRQTLAPEGIWIMGALAAIIGLLV 424

 ICTB : 421 HGLFDTFLYRPEASTLWWLICIGAIASFWQPQPSKQLPPEAEHSDEKM 467
 HG+ DTV YRP STLWWL + +AS W ++ + E+ D+ +
 SLR : 425 HGMVDTWYRPPVSTLWWLVAIVASQWASAQARLEASKEENEDKPL 471

0 9 8 6 5 3 2 0 3 6 0 6 5 6 5 6 5 6 5 6 5

Fig. 5

Wild type GGGCT-AGCCGCGATCGCGGCCTATTGGGCC (SEQ ID NO: 6)
IL-2 ApaI side GGGCT-AG--G-GATCGC-GCCTATTGGGCC (SEQ ID NO: 7)
IL-2 BamHI side GGGCTCA----GATCGC-GCCTATTGGGCC (SEQ ID NO: 8)
IctB G L A A I A A Y W A L (SEQ ID NO: 9)

Fig. 6

